

腾讯健康组学平台 最佳实践



腾讯云

【 版权声明 】

©2013-2024 腾讯云版权所有

本文档（含所有文字、数据、图片等内容）完整的著作权归腾讯云计算（北京）有限责任公司单独所有，未经腾讯云事先明确书面许可，任何主体不得以任何形式复制、修改、使用、抄袭、传播本文档全部或部分內容。前述行为构成对腾讯云著作权的侵犯，腾讯云将依法采取措施追究法律责任。

【 商标声明 】

及其它腾讯云服务相关的商标均为腾讯云计算（北京）有限责任公司及其关联公司所有。本文档涉及的第三方主体的商标，依法由权利人所有。未经腾讯云及有关权利人书面许可，任何主体不得以任何方式对前述商标进行使用、复制、修改、传播、抄录等行为，否则将构成对腾讯云及有关权利人商标权的侵犯，腾讯云将依法采取措施追究法律责任。

【 服务声明 】

本文档意在向您介绍腾讯云全部或部分产品、服务的当时的相关概况，部分产品、服务的内容可能不时有所调整。您所购买的腾讯云产品、服务的种类、服务标准等应由您与腾讯云之间的商业合同约定，除非双方另有约定，否则，腾讯云对本文档内容不做任何明示或默示的承诺或保证。

【 联系我们 】

我们致力于为您提供个性化的售前购买咨询服务，及相应的技术售后服务，任何问题请联系 4009100100或95716。

文档目录

最佳实践

可视化批量任务投递及管理
任务、作业的重跑和续跑

最佳实践

可视化批量任务投递及管理

最近更新时间：2023-12-04 18:51:31

支持通过上传表格的方式，批量运行任务。

步骤一：新增表格

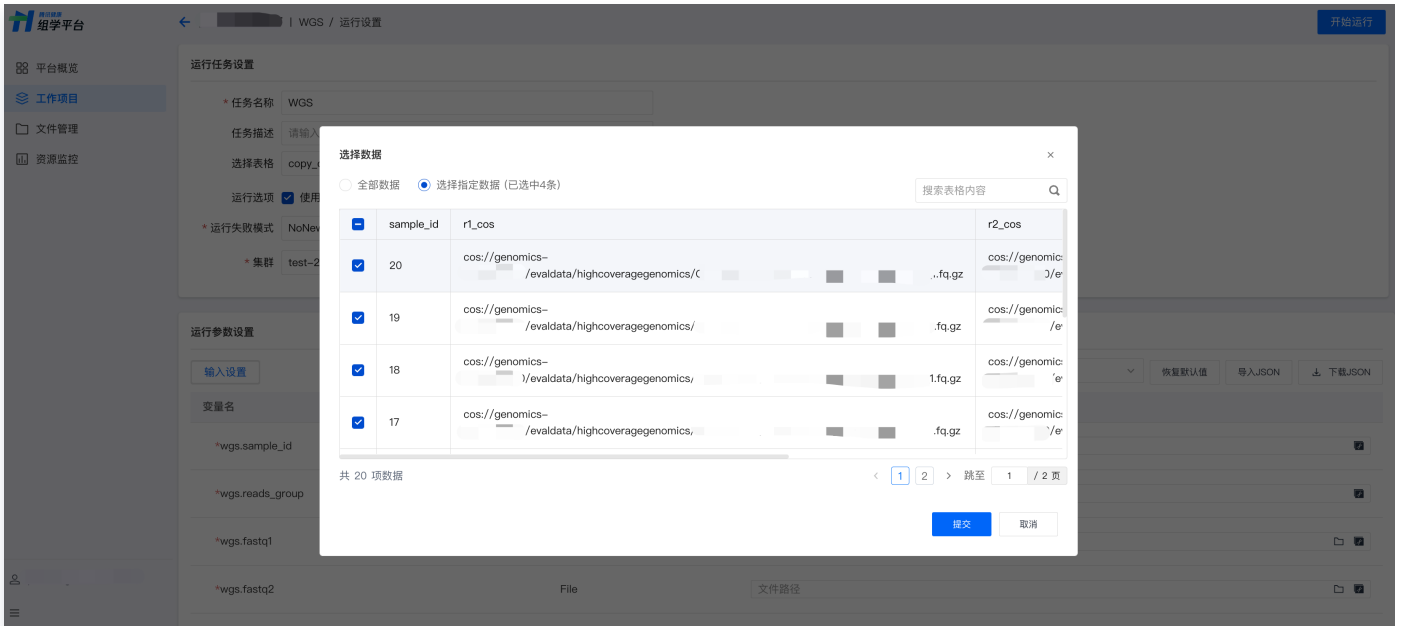
创建表格详情可参见文档：[新增表格](#)。

步骤二：选择表格及数据

1. 选择表格，默认选择全部数据，即投递全部子任务。

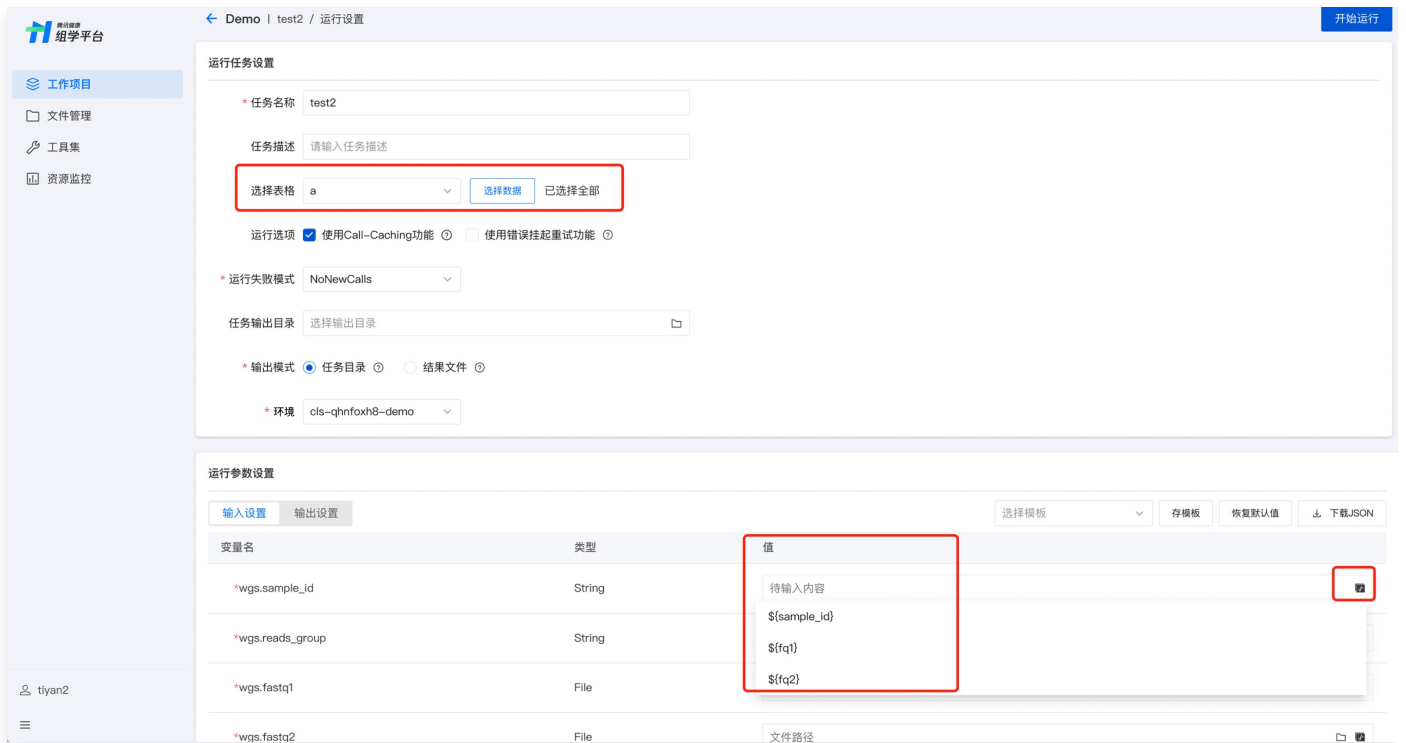
The screenshot displays the '运行设置' (Run Settings) and '运行参数设置' (Run Parameter Settings) sections of the Tencent Cloud Genomics Platform. In the '运行任务设置' (Run Task Settings) section, the '选择表格' (Select Table) dropdown is set to 'a', and the '选择数据' (Select Data) button is highlighted with a red box, indicating that all data is selected. Below this, the '运行选项' (Run Options) section has '使用Call-Caching功能' (Use Call-Caching Function) checked. The '运行失败模式' (Run Failure Mode) is set to 'NoNewCalls'. The '任务输出目录' (Task Output Directory) is set to '选择输出目录'. The '输出模式' (Output Mode) is set to '任务目录'. The '环境' (Environment) is set to 'cls-qhnfoxh8-demo'. In the '运行参数设置' (Run Parameter Settings) section, the '输入设置' (Input Settings) tab is active. A table lists variables: '*wgs.sample_id' (String), '*wgs.reads_group' (String), '*wgs.fastq1' (File), and '*wgs.fastq2' (File). The '值' (Value) column for these variables is highlighted with a red box, showing a dropdown menu with options: '待输入内容', '\${sample_id}', '\${fq1}', and '\${fq2}'. The '文件路径' (File Path) column is also visible at the bottom.

2. 也可以单击选择数据，进一步选择所需要投递的子任务，无需从表格中指定的输入参数需填写完整。



步骤三：设置运行参数

1. 选择合适的运行参数，在运行参数设置中，变量名对应的值需要与所上传表格表头名称相匹配。



2. 可以选择参数模板，也可以手动填写运行参数。

腾讯云
组学平台

工作项目

- 文件管理
- 工具集
- 资源监控

tiyan2

环境 * cls-qhfoxh8-demo

运行参数设置

输入设置 输出设置

选择模板

存模板 恢复默认值 下载JSON

变量名	类型	值
*wgs.sample_id	String	待输入内容
*wgs.reads_group	String	待输入内容
*wgs.fastq1	File	文件路径
*wgs.fastq2	File	文件路径
*wgs.genome_indexes	Array[File]	文件路径
*wgs.genome_dict	File	文件路径
*wgs.wgs_calling_regions	File	文件路径
*wgs.known_dbnp	Array[File]	文件路径
*wgs.known_Mills	Array[File]	文件路径
*wgs.known_1000Gindels	Array[File]	文件路径
*wgs.docker_img	String	ccr.ccs.tencentyun.com/omics/genomes-in-the-cloud:2.5.7-2021-06-09_16-47-48Z

步骤四：运行任务

单击右上角开始运行，启动分析任务。

腾讯云
组学平台

工作项目

- 文件管理
- 工具集
- 资源监控

tiyan2

← Demo | test2 / 运行设置 开始运行

运行任务设置

* 任务名称

任务描述

选择表格 a 选择数据 已选择全部

运行选项 使用Call-Caching功能 使用错误挂起重试功能

* 运行失败模式 NoNewCalls

任务输出目录

* 输出模式 任务目录 结果文件

* 环境 cls-qhfoxh8-demo

运行参数设置

输入设置 输出设置

template

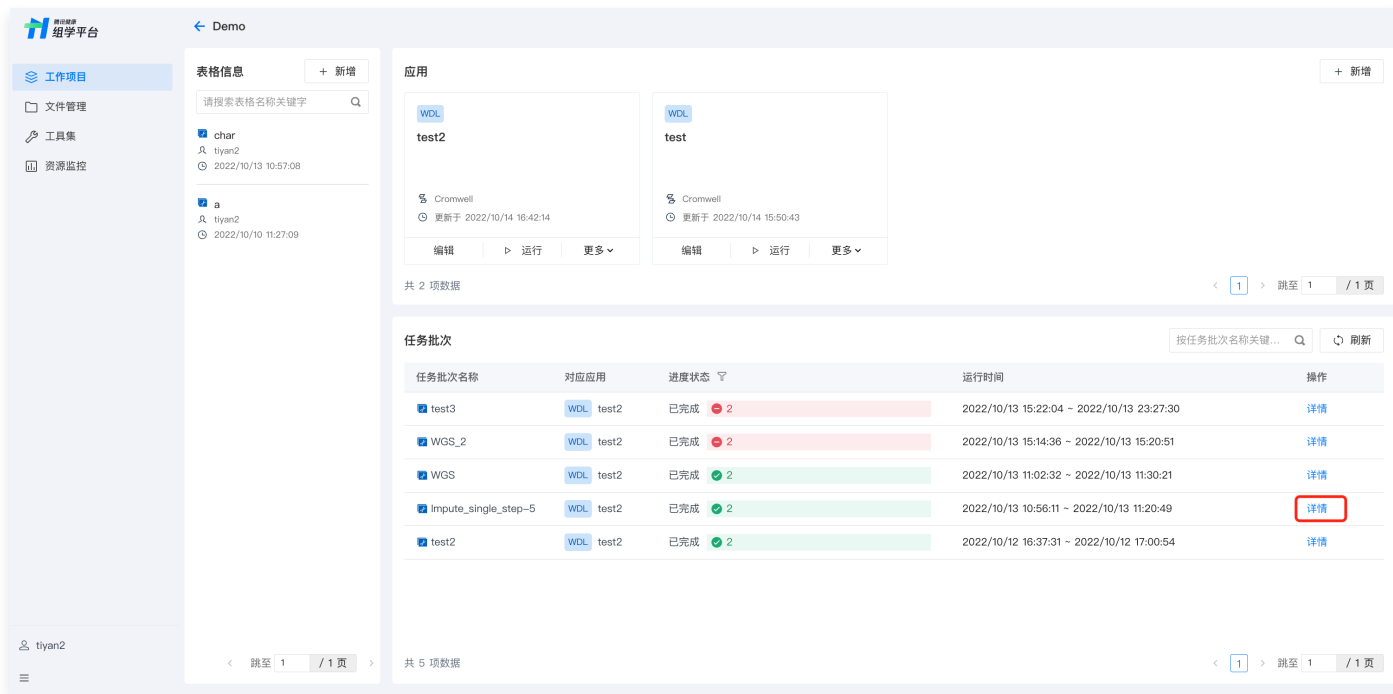
存模板 恢复默认值 下载JSON

变量名	类型	值
*wgs.sample_id	String	HG002
*wgs.reads_group	String	@RG:ID:GROUP_NAME:SM:SAMPLE_NAME:PL:PLATFORM
*wgs.fastq1	File	cos://genomic/.../easygene-examples-beijing/..._JADX13011

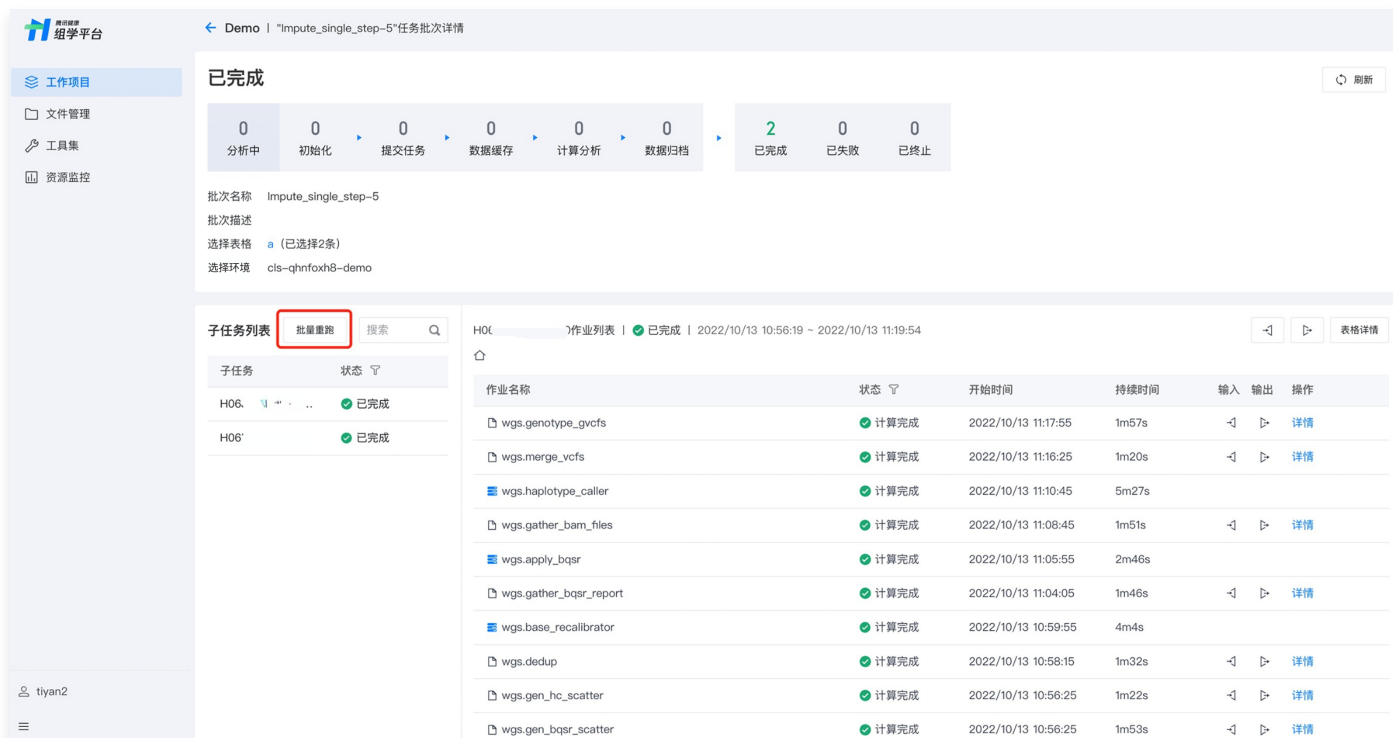
任务、作业的重跑和续跑

最近更新時間：2024-04-23 15:41:41

1. 选择某任务批次的详情选项，可进入该批次详情页面。



2. 在任务批次的详情页的子任务列表栏，支持批量重跑子任务。



3. 选择批量重跑选项后，可选择需要重跑的子任务，仅支持对已完成、已失败、已终止的子任务发起重跑。

腾讯云健康组学平台 Demo | "Impute_single_step-5"任务批次详情

工作项目 | 文件管理 | 工具集 | 资源监控

已完成

分析中 0 初始化 0 提交任务 0 数据缓存 0 计算分析 0 数据归档 0 已完成 2 已失败 0 已终止 0

批次名称: Impute_single_step-5
 批次描述:
 选择表格: a (已选择2条)
 选择集群: cls-qhnfoxh8-demo

子任务列表

子任务	状态
H06JUADXX130...	已完成
H06HDADXX13...	已完成

批量重跑

请选择子任务，仅支持“已完成”、“已失败”、“已终止”的子任务重跑

0 / 2 项

- H06JUADXX... 已完成
- H06HDADXX... 已完成

0 / 0 项

暂无数据

跳至 1 / 1 页

开始重跑 取消

开始时间	持续时间	输入	输出	操作
2022/10/13 11:17:55	1m57s	-1	-1	详情
2022/10/13 11:16:25	1m20s	-1	-1	详情
2022/10/13 11:10:45	5m27s			
2022/10/13 11:08:45	1m51s	-1	-1	详情
2022/10/13 11:05:55	2m46s			
2022/10/13 11:04:05	1m46s	-1	-1	详情
2022/10/13 10:59:55	4m4s			
2022/10/13 10:58:15	1m32s	-1	-1	详情
2022/10/13 10:56:25	1m22s	-1	-1	详情
2022/10/13 10:56:25	1m53s	-1	-1	详情

wgs.gen_hc_scatter 计算完成
 wgs.gen_bsr_scatter 计算完成

4. 重跑后会生成新的批次信息，不会覆盖原来的记录。